

|          |   |        |             |
|----------|---|--------|-------------|
| • 計畫中文名稱 | 子宮內膜異位症血清診斷標記之建立及篩選   |        |             |
| • 計畫英文名稱 | Identification of the Serum Markers of Endometriosis  |        |             |
| • 系統編號   | PC9308-0683   | • 研究性質 | 基礎研究        |
| • 計畫編號   | NSC93-2314-B038-029   | • 研究方式 | 學術補助        |
| • 主管機關   | 行政院國家科學委員會  | • 研究期間 | 9308 ~ 9407 |
| • 執行機構   | 台北醫學院附設醫院婦產部  |        |             |
| • 年度     | 93 年  | • 研究經費 | 816 千元      |
| • 研究領域   | 臨床醫學類   |        |             |
| • 研究人員   | 曾啓瑞,楊維中,王惠鈞   |        |             |
| • 中文關鍵字  | 子宮內膜異位症; 血清; 蛋白質體學  |        |             |
| • 英文關鍵字  | --  |        |             |
| • 中文摘要   | <p>子宮內膜異位症 (endometriosis) 是由於子宮內膜組織因不明原因附著於不適當 的位置，導致胚胎著床不易，增加流產的機率，造成不孕。全世界有 3%-5%的婦女患有 子宮內膜異位， 在台灣， 平均每四位上不孕症專科求診的婦女病患即有一位患有子宮 內膜異位症。 臨床上已採用一些常見的標記分子，如 CA-125 或者醣質抗原 CA19-9 當 作診斷子宮內膜異位症的標記分子，但其專一性及敏感度相當低，無法作為子宮內膜異位症特有之標記分子，此外，其用於早期診斷的效益也非常低。本實驗室研究群近年來 以基因體技術，及生化分析技術致力尋找具專一性及高敏感度之子宮內膜異位症之診斷 標記因子，先期利用 cDNA 基因晶片(cDNA microarray)技術，分析比較 GnRHa 治療前 後的異位(Ectopic)子宮內膜組織-巧克力囊腫(Chocolate cyst)之基因表現差異。分析結果 發現，75 個基因的表現在經過 GnRHa 治療後，其表現會減少；216 個基因的表現則會 增加(up-regulated)。與細胞生長(如：PCNA、topoisomerase II alpha 和 CDC2 delta T)、細 胞轉化(Pituitary tumor-transforming gene) 及細胞侵入(Enolase 1 alpha)相關的基因，皆高 度表現於未經 GnRHa 治療之異位子宮內膜組織。初步實驗成果部分已發表於相關研討 會及期刊。本計劃將試圖以蛋白質體學之技術以人類血清為分析對象進行廣泛性尋找診 斷用子宮內膜異位症之標記分子，以確認先期 cDNA microarray 結果所預測之變異基因 是否在血清中蛋白質亦有表現並可被偵測到，以便選定五至十種可能之血清診斷標記， 並對於採集之子宮內膜異位症患者血清，腹 腔液， 及子宮內膜組織檢體，以生物資訊 學 (bioinformatics) 及統計的方法，進行選定標記分子之專一性及敏感度測試之篩選， 預計以二年時 間完成。本計劃之執行將有助於子宮內膜異位症診斷試劑之開發，以達到 早期診斷出子宮內膜異位症之目的。另外計畫完成之結果也可能發展出 其他的治療對 策，進而減少不孕的發生。</p> |        |             |

